

SNPXplex

| | | | | | | | | | | |
|------------------------------------------------------------------------|----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|-----------------------------------------|------------------------------------------------|-----------------------------------------|-------|------------------------------------------------|-----------------------------------------|-------|------------------------------------------------|-----------------------------------------|
| Lot : 26.D-01 pour validation nouveau lot Taq « D » | | | | | | | | | | |
| ADN de validation : Coriell 2-6-7-11-17 ADN Coriell 14 manquant | | | | | | | | | | |
| Blanc | <input checked="" type="checkbox"/> Absence de contamination <input type="checkbox"/> Présence de contamination | | | | | | | | | |
| Profils | <input checked="" type="checkbox"/> sans aucune ambiguïté <input type="checkbox"/> profils ambigus | | | | | | | | | |
| Amplifications non-spécifiques | <table><tr><td>• 5C</td><td><input checked="" type="checkbox"/> acceptable</td><td><input type="checkbox"/> non acceptable</td></tr><tr><td>• 11G</td><td><input checked="" type="checkbox"/> acceptable</td><td><input type="checkbox"/> non acceptable</td></tr><tr><td>• 15A</td><td><input checked="" type="checkbox"/> acceptable</td><td><input type="checkbox"/> non acceptable</td></tr></table> | • 5C | <input checked="" type="checkbox"/> acceptable | <input type="checkbox"/> non acceptable | • 11G | <input checked="" type="checkbox"/> acceptable | <input type="checkbox"/> non acceptable | • 15A | <input checked="" type="checkbox"/> acceptable | <input type="checkbox"/> non acceptable |
| • 5C | <input checked="" type="checkbox"/> acceptable | <input type="checkbox"/> non acceptable | | | | | | | | |
| • 11G | <input checked="" type="checkbox"/> acceptable | <input type="checkbox"/> non acceptable | | | | | | | | |
| • 15A | <input checked="" type="checkbox"/> acceptable | <input type="checkbox"/> non acceptable | | | | | | | | |

| | | |
|-----------------------------------------------------------------------------------------|----------------------------|-----------------------------------------------------------------------------------------------|
| Analyse comparative avec lot : 26.C-01 | | |
| Commentaire(s) : Apparition de bosses disgracieuses en n+1 pour SNP 11 A 11G 15A et 15G | | |
| Augmentations d'intensité | Baisses d'intensité | Conclusion |
| • 6G • 12G • 15G | • 10G | <input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant |

| |
|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| Conclusion : Génotypes manquants à cause de l'absence de l'ADN 14 : SNP-3 T/T SNP-8 G/G SNP-12 A/A Amélioration des profils des HTZ SNP6 et SNP12 |
|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|

| | |
|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|------------------------------------------------|
| <input checked="" type="checkbox"/> Mastermix Taq « D » validé sous réserve des profils des 3 génotypes non représentés | <input type="checkbox"/> Lot non validé |
| Date: 16/08/2024 | |
| Par : Sandrine Noël | |