

SNPXplex

Lot : XP28.C-01																	
ADN de validation : Coriell 2-6-7-11-14-17																	
Blanc	<input checked="" type="checkbox"/> Absence de contamination	<input type="checkbox"/> Présence de contamination															
Profils	<input checked="" type="checkbox"/> sans aucune ambiguïté <input type="checkbox"/> profils ambigus Lesquels :																
Amplifications non-spécifiques	<table style="width: 100%; border: none;"> <tr> <td style="width: 50%;">• SNP 3-T</td> <td style="width: 25%; text-align: center;"><input checked="" type="checkbox"/> acceptable</td> <td style="width: 25%; text-align: center;"><input type="checkbox"/> non acceptable</td> </tr> <tr> <td>• SNP 11-G</td> <td style="text-align: center;"><input checked="" type="checkbox"/> acceptable</td> <td style="text-align: center;"><input type="checkbox"/> non acceptable</td> </tr> <tr> <td>• SNP 15-A</td> <td style="text-align: center;"><input checked="" type="checkbox"/> acceptable (limite)</td> <td style="text-align: center;"><input type="checkbox"/> non acceptable</td> </tr> <tr> <td>• Pic non-spécifique 118pb ou 121pb</td> <td style="text-align: center;"><input checked="" type="checkbox"/> acceptable</td> <td style="text-align: center;"><input type="checkbox"/> non acceptable</td> </tr> <tr> <td>• Pic en n-1 des allèles X et Y</td> <td style="text-align: center;"><input checked="" type="checkbox"/> acceptable</td> <td style="text-align: center;"><input type="checkbox"/> non acceptable</td> </tr> </table>		• SNP 3-T	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable	• SNP 11-G	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable	• SNP 15-A	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable (limite)	<input type="checkbox"/> non acceptable	• Pic non-spécifique 118pb ou 121pb	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable	• Pic en n-1 des allèles X et Y	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable
• SNP 3-T	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable															
• SNP 11-G	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable															
• SNP 15-A	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable (limite)	<input type="checkbox"/> non acceptable															
• Pic non-spécifique 118pb ou 121pb	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable															
• Pic en n-1 des allèles X et Y	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable															

Analyse comparative avec lot : 23.c		
Commentaire(s) : Déséquilibre accentué pour HTZ SNP 6-8-12-15 Amélioration équilibre pour HTZ SNP 2-7 <i>Adn Coriell 2 donne des profils différents pour des génotypes présents sur d'autres ADN Coriell : ces différences n'ont pas été prises en compte dans les conclusions car non reproduites sur les autres ADN Coriell</i>		
Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
<ul style="list-style-type: none"> • SNP2-C • SNP7-C • SNP8-A • SNP15-A • X • Y 	<ul style="list-style-type: none"> • SNP6-G 	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

SNPXplex

Analyse comparative avec lot : **26.C-02**

Commentaire(s) :

Déséquilibre accentué pour HTZ SNP 6-9

Meilleur équilibre pour HTZ SNP 2

Nette amélioration des intensités pour les 2 allèles du SNP3

Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
<ul style="list-style-type: none">• SNP2-C• SNP3-C• SNP3-T• Y	<ul style="list-style-type: none">• SNP6-G• SNP9-G	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

Analyse comparative avec lot : **27.C-03**

Commentaire(s) :

Tendance à l'accentuation du déséquilibre pour HTZ SNP 6-9-12-15

Amélioration équilibre pour HTZ SNP 2-7

Nette amélioration des intensités pour les 2 allèles du SNP3

Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
<ul style="list-style-type: none">• SNP2-C• SNP3-C• SNP3-T• SNP7-C• X• Y	<ul style="list-style-type: none">• SNP7-T• SNP9-G• SNP15-G	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

Conclusion et points de surveillance :

Baisse intensité SNP6-G ⇔ Accentuation déséquilibre HTZ SNP6

Petite baisse intensité SNP9-G ⇔ légère accentuation déséquilibre HTZ SNP9

Petite baisse intensité SNP15-G ⇔ légère accentuation déséquilibre HTZ SNP15

Pic non spécifique au niveau du SNP15-A: risque d'étiquetage non désiré (faux HTZ SNP15 pour HMZ G/G)

Pics non spécifiques à 118pb (ADN #6) ou 121pb (les 5 autres ADN) en dehors des bins des SNP

 Lot validé **Lot non validé**

Date: 28/6/2024

Par : Sandrine Noël