

SNPXplex

Lot : 37.G-08			
ADN de validation : Coriell 2-6-7-11-14-17			
Blanc	<input checked="" type="checkbox"/> Absence de contamination <input type="checkbox"/> Présence de contamination		
Profils	<input checked="" type="checkbox"/> sans aucune ambiguïté <input type="checkbox"/> profils ambigus Lesquels : <ul style="list-style-type: none"> - Légers pics secondaires mineurs à la base de tous les pics des SNPs. - Présence d'un pic parasite entre les SNP3 et SNP4. - Présence d'une bosse (interférence non spécifique) vers 97 bp dans les spectres obtenus sur séquenceur capillaire de type ABI 3730 et vers 102 bp dans les spectres obtenus sur séquenceur capillaire de type ABI 3500. Aucune bosse de ce type n'est observée sur les spectres obtenus sur séquenceur capillaire SeqStudio. Des investigations sont en cours pour adresser ce problème. En attendant, cela peut générer des étiquetages faussés dans la zone du SNP1 (01_C ou 01_T) chez certains patients et selon le type de séquenceur utilisé. 		
Amplifications non-spécifiques	<ul style="list-style-type: none"> • 02_C chez HMZ 02_T • 03_T chez HMZ 03_C • 05_C chez HMZ 05_T 	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable

Analyse comparative avec lot : 37.E-02		
Commentaire(s) : Courbes très similaires. Equilibre légèrement amélioré SNP03 C/T et SNP12 A/G Déséquilibres équivalents 06_G < 06_A, 07_T > 07_C, 08_G < 08_A, 09_G > 09_A et 14_A > 14_G Déséquilibres moins bons 02_T < 02_C		
Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
<ul style="list-style-type: none"> • 01_C, 02_C, 16_C 	<ul style="list-style-type: none"> • 02_T, 05_T, 08_A, 12_A, 12_G, 15_G, 15_A 	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

SNPXplex

Analyse comparative avec lot : 37.E-06		
Commentaire(s) : Courbes très similaires. Equilibre légèrement amélioré SNP12 A/G Déséquilibres équivalents 06_G < 06_A, 07_C > 07_T, 08_G < 08_A, 09_G < 09_A, Déséquilibres moins bons 02_T < 02_C, 14_A > 14_G		
Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
• 02_C, 15_A	• 02_T, 03_T, 05_T, 06_G, 12_A	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

Analyse comparative avec lot : 38.E-02		
Commentaire(s) : Courbes très similaires. Equilibre amélioré SNP3 C/T et SNP9 G/A Déséquilibres équivalents 06_G < 06_A, 07_T < 07_G, 08_G < 08_A, 09_G < 09_A Déséquilibres moins bons 02_T < 02_C, 14_A > 14_G		
Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
• 02_C, 15_A, 11_A	• 02_T, 03_C, 05_T, 06_G, 12_A	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

Analyse comparative avec lot : 39.E-02		
Commentaire(s) : Courbes très similaires. Equilibre amélioré SNP3 C/T et SNP11 G/A Déséquilibres équivalents 06_G < 06_A, 07_T < 07_G, 08_G < 08_A, 09_G < 09_A Déséquilibres moins bons 02_T < 02_C, 14_A > 14_G		
Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
• 03_T, 03_T, 02_C	• 01_C, 01_T, 02_T, 05_C, 05_T, 06_G, 09_A, 11_A, 12_A, 14_G, 15_G, 15_A, 16_C	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

Points de surveillance :

Une interférence non spécifique, migrant différemment selon le séquenceur utilisé, est possible : cet artéfact se situe au niveau du SNP1-C (~97pb) sur Applied Biosystems® 3730XL DNA Analyzer (Thermo Fisher), et au niveau du SNP1-T (~102pb) sur Applied Biosystems® 3500 DNA Analyzer (Thermo Fisher). Cette interférence n'apparaît pas dans les courbes générées sur SeqStudio. Cf exemples de courbes et détails ci-après.

SNPXplex

☒ Lot validé

☐ Lot non validé

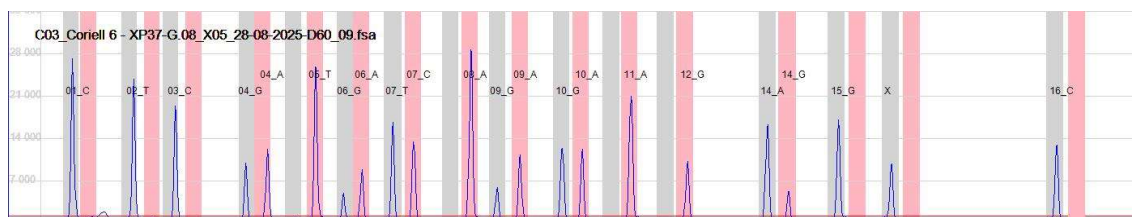
Date: 24/09/2025

Par : G. L'HERMITE et K. ZARKA

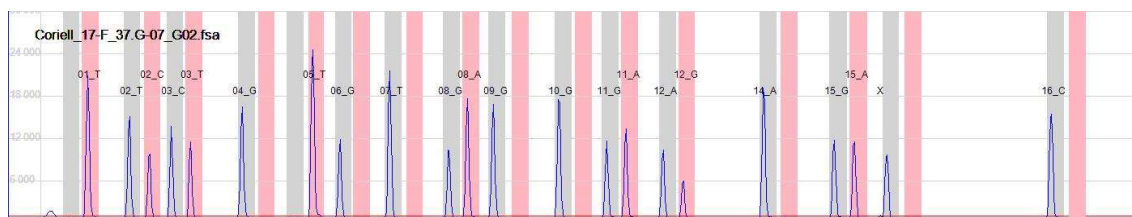
Annexe : Afin d'illustrer l'effet de l'interférence non spécifique constatée sur les séquenceurs de type ABI 3730XL et ABI 3500, qui n'est pas retrouvée sur les spectres obtenus sur séquenceurs SeqStudio, nous reportons ci-dessous des courbes typiques.

Si une courbe réalisée avec le lot XP37.G.08 était disponible au moment d'établir le présent certificat, alors elle est reportée ci-dessous. Si elle ne l'était pas, alors une courbe obtenue avec le lot XP37.G.07 est reportée pour exemple :

Exemple de courbe obtenue à dilution 1:60, sur un ABI 3500 (Coriell 6)



Exemple de courbe obtenue à dilution 1:100, sur un ABI 3730XL (Coriell 17)



Exemple de courbe analogue avec une dilution 1:40 sur un SeqStudio (Coriell 17)

