

SNPXplex

Lot : 45.G-02			
ADN de validation : Coriell 2-6-7-11-14-17			
Blanc	<input checked="" type="checkbox"/> Absence de contamination <input type="checkbox"/> Présence de contamination		
Profils	<input checked="" type="checkbox"/> sans aucune ambiguïté <input type="checkbox"/> profils ambigus Lesquels : <ul style="list-style-type: none"> - Légers pics secondaires mineurs à la base de tous les pics des SNPs. - Présence d'une bosse (interférence non spécifique) vers 97 bp dans les spectres obtenus sur séquenceur capillaire de type ABI 3730 et vers 102 bp dans les spectres obtenus sur séquenceur capillaire de type ABI 3500. Aucune bosse de ce type n'est observée sur les spectres obtenus sur séquenceur capillaire SeqStudio. Des investigations sont en cours pour adresser ce problème. En attendant, cela peut générer des étiquetages faussés dans la zone du SNP1 (01_C ou 01_T) chez certains patients et selon le type de séquenceur utilisé. 		
Amplifications non-spécifiques	<ul style="list-style-type: none"> • 05_C chez HMZ 05_T • 12_G chez HMZ 12_A 	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable

Analyse comparative avec lot : 37.G-08		
Commentaire(s) : Courbes très similaires. Equilibre légèrement amélioré SNP 2 T/C, SNP 7 T/C, SNP 8 G/A, SNP 11 G/A et SNP 14 A/G Déséquilibres équivalents 04_G < 04_A, 07_T > 07_C Déséquilibres moins bons 03_C < 03_T, 06_G < 06_A, 09_G < 09_A, 12_A > 12_G, 14_A > 14_G		
Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
<ul style="list-style-type: none"> • 01_T, 02_T, 03_T, 03_C, 04_G, 04_A, 05_C, 05_T, 06_G, 06_A, 08_G, 09_A, 10_G, 10_A, 11_G, 12_A, 14_G, 16_C, X, Y 	<ul style="list-style-type: none"> • 02_C, 03_C, 07_T, 08_A, 11_A, 14_A, 15_G 	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

SNPXplex

Analyse comparative avec lot : 44.G-02		
Commentaire(s) : Courbes très similaires. Equilibre légèrement amélioré SNP 3 C/T, SNP 05 C/T, SNP 07 T/C, SNP 8 G/A, SNP 10 G/A, SNP 11 G/A, SNP 14 A/G, SNP 15 G/A Déséquilibres équivalents SNP 02_T > 02_C, SNP 03C < 03_T, SNP 07_T > 07_C, Déséquilibres moins bons 06_G < 06_A, 09_G < 09_A, 12_A > 12_G, 14_G > 14_A		
Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
<ul style="list-style-type: none"> 01_T, 02_T, 02_C, 03_C, 04_G, 04_A, 05_C, 05_T, 06_A, 07_T, 07_C, 08_G, 09_A, 10_G, 11_G, 12_A, 14_G, 15_A, X, 16_C, 16_T 	<ul style="list-style-type: none"> 01_C, 03_T, 08_A, 10_A, 11_G, 11_A, 14_A, 15_G 	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

Points de surveillance :

Une interférence non spécifique, migrant différemment selon le séquenceur utilisé, est possible : cet artéfact se situe au niveau du SNP1-C (~97pb) sur Applied Biosystems® 3730XL DNA Analyzer (Thermo Fisher), et au niveau du SNP1-T (~102pb) sur Applied Biosystems® 3500 DNA Analyzer (Thermo Fisher). Cette interférence n'apparaît pas dans les courbes générées sur SeqStudio. Cf exemples de courbes et détails ci-après.

☒ **Lot validé**

☐ **Lot non validé**

Date: 20/10/2025

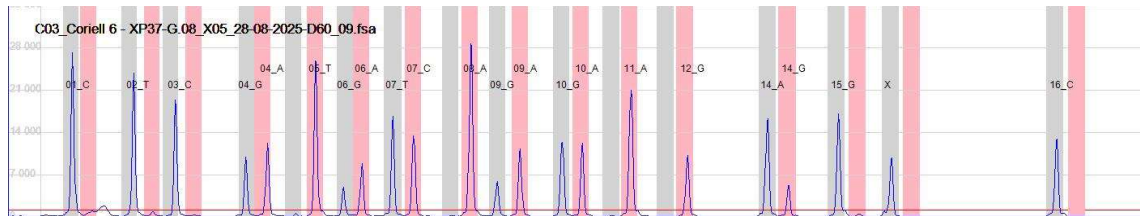
Par : G. L'HERMITE et K. ZARKA

Annexe : Afin d'illustrer l'effet de l'interférence non spécifique constatée sur les séquenceurs de type ABI 3730XL et ABI 3500, qui n'est pas retrouvée sur les spectres obtenus sur séquenceurs SeqStudio, nous reportons ci-dessous des courbes typiques.

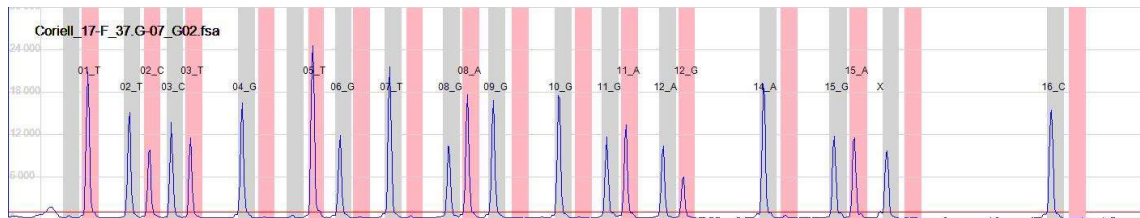
Si une courbe réalisée avec le lot XP45.G.02 était disponible au moment d'établir le présent certificat, alors elle est reportée ci-dessous. Si elle ne l'était pas, alors une courbe obtenue avec le lot XP37.G.07 ou XP37.G.08 est reportée pour exemple :

SNPXplex

Exemple de courbe obtenue à dilution 1:60, sur un ABI 3500 (Coriell 6)



Exemple de courbe obtenue à dilution 1:100, sur un ABI 3730XL (Coriell 17)



Exemple de courbe analogue avec une dilution 1:40 sur un SeqStudio (Coriell 17)

