

# SNPXplex

<b>Lot : 37.E-05</b>		
ADN de validation : Coriell 2-6-7-11-14-17		
<b>Blanc</b>	<input checked="" type="checkbox"/> Absence de contamination	<input type="checkbox"/> Présence de contamination
<b>Profils</b>	<input checked="" type="checkbox"/> sans aucune ambiguïté  <input type="checkbox"/> profils ambigus	
<b>Amplifications non-spécifiques</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• SNP2-C visible sur HMZ T <input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable</li> <li>• SNP3-C visible sur HMZ T <input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable</li> <li>• SNP3-T visible sur HMZ C <input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable</li> <li>• SNP14-G visible sur HMZ A <input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable</li> <li>• SNP15-A visible sur HMZ G <input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable</li> </ul>	

<b>Analyse comparative avec lot : 37.E-02</b>		
Commentaire(s) : Accentuation déséquilibre des HTZ SNP6 SNP14 SNP15		
<b>Augmentations d'intensité</b>	<b>Baisse d'intensité</b>	<b>Conclusion</b>
	<ul style="list-style-type: none"> <li>• SNP6-G</li> <li>• SNP12-A</li> <li>• SNP12-G</li> <li>• SNP14-G</li> <li>• SNP15-G</li> </ul>	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

<b>Analyse comparative avec lot : 37.E-04</b>		
Commentaire(s) : Légère amélioration équilibre des HTZ SNP6		
<b>Augmentations d'intensité</b>	<b>Baisse d'intensité</b>	<b>Conclusion</b>
• SNP6-G		<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

<b>Points de surveillance :</b> Apparition d'un pic non spécifique entre SNP3 et SNP4 (très faible et non gênant car hors bin)
---

<input checked="" type="checkbox"/> <b>Lot validé</b>	<input type="checkbox"/> <b>Lot non validé</b>
<b>Par : Sandrine Noël le 18 avril 2025</b>	