

# SNPXplex

## Lot : 30.D-05

ADN de validation : Coriell 2-6-7-11-14-17

<b>Blanc</b>	<input checked="" type="checkbox"/> Absence de contamination	<input type="checkbox"/> Présence de contamination
<b>Profils</b>	<input checked="" type="checkbox"/> sans aucune ambiguïté <input type="checkbox"/> profils ambigus Lesquels : .....	
<b>Amplifications non-spécifiques</b>	<ul style="list-style-type: none"><li>• 11G <input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable</li><li>• 14G <input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable</li><li>• 15A <input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable</li></ul>	

### Analyse comparative avec lot : 27.C-03

**Commentaire(s) :** Nette amélioration des intensités des 2 allèles SNP3  
Accentuation des déséquilibres des HTZ pour SNP8, SNP9, SNP12 et SNP15

Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
<ul style="list-style-type: none"><li>• 3C</li><li>• 3T</li><li>• 12A</li><li>• 15A</li></ul>	<ul style="list-style-type: none"><li>•</li></ul>	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

### Analyse comparative avec lot : 30.D-04

**Commentaire(s) :** Pas d'écart significatif entre les profils des 2 lots

Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
<ul style="list-style-type: none"><li>•</li></ul>	<ul style="list-style-type: none"><li>•</li></ul>	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

#### Points de surveillance :

Risque de débordement de « l'amalgame » de pics en amont du premier SNP (liés au vieillissement des amorces ?) dans le bin du SNP01-C

**Lot validé**

**Lot non validé**

**Date:** 30/10/2024

**Par :** Sandrine Noël