

SNPXplex

Lot : 30.D-04

ADN de validation : Coriell 2-6-7-11-14-17

Blanc	<input checked="" type="checkbox"/> Absence de contamination	<input type="checkbox"/> Présence de contamination
Profils	<input checked="" type="checkbox"/> sans aucune ambiguïté <input type="checkbox"/> profils ambigus Lesquels :	
Amplifications non-spécifiques	<ul style="list-style-type: none">• 11G <input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable• 14G <input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable• 15A <input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable	

Analyse comparative avec lot : 27.C-03

Commentaire(s) : Nette amélioration des intensités des 2 allèles SNP3
Accentuation des déséquilibres des HTZ pour SNP8, SNP9, SNP12 et SNP15

Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
<ul style="list-style-type: none">• 3C• 3T• 12A• 15A	<ul style="list-style-type: none">•	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

Analyse comparative avec lot : 30.D-03

Commentaire(s) : Pas d'écart significatif entre les profils des 2 lots

Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
<ul style="list-style-type: none">•	<ul style="list-style-type: none">•	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

Points de surveillance :

Risque de débordement de « l'amalgame » de pics en amont du premier SNP (liés au vieillissement des amorces ?) dans le bin du SNP01-C

Lot validé

Lot non validé

Date: 30/10/2024

Par : Sandrine Noël