

SNPXplex

Lot : 35.E-02			
ADN de validation : Coriell 2-6-7-11-12-14-17			
Blanc	<input checked="" type="checkbox"/> Absence de contamination <input type="checkbox"/> Présence de contamination		
Profils	<input checked="" type="checkbox"/> sans aucune ambiguïté <input type="checkbox"/> profils ambigus		
Amplifications non-spécifiques	• 14G visible sur HMZ A	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable
	• 15A visible sur HMZ G	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable

Analyse comparative avec lot : 30.D-06		
Commentaire(s) : Améliorations des équilibres pour les HTZ des SNP3, SNP6 et SNP10		
Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
• 3C • 10G	• 3T • 6A • 10A	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

Analyse comparative avec lot : 34.D-02		
Commentaire(s) : Améliorations des équilibres pour les HTZ des SNP3, SNP6, SNP10, SNP14 et SNP15		
Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
• 3T • 6G • 10G • 14G • 15G	• 3C • 6A • 10A	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

Points de surveillance : Amplification non-spécifique SNP15-A : risque d'étiquetage pour les HMZ SNP15G Déséquilibre des intensités des SNP6, SNP9, SNP12 et SNP15 dans les cas HTZ.

<input checked="" type="checkbox"/> Lot validé	<input type="checkbox"/> Lot non validé
Date: 25/02/2025 Par : Guillaume L'HERMITE	