

# SNPXplex

## Lot : 35.E-02

ADN de validation : Coriell 2-6-7-11-12-14-17

<b>Blanc</b>	<input checked="" type="checkbox"/> Absence de contamination	<input type="checkbox"/> Présence de contamination	
<b>Profils</b>	<input checked="" type="checkbox"/> sans aucune ambiguïté <input type="checkbox"/> profils ambigus		
<b>Amplifications non-spécifiques</b>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• 14G visible sur HMZ A</li> <li>• 15A visible sur HMZ G</li> </ul>	<input checked="" type="checkbox"/> acceptable <input checked="" type="checkbox"/> acceptable	<input type="checkbox"/> non acceptable <input type="checkbox"/> non acceptable

### Analyse comparative avec lot : 30.D-06

Commentaire(s) : Améliorations des équilibres pour les HTZ des SNP3, SNP6 et SNP10

Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
<ul style="list-style-type: none"> <li>• 3C</li> <li>• 10G</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• 3T</li> <li>• 6A</li> <li>• 10A</li> </ul>	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

### Analyse comparative avec lot : 34.D-02

Commentaire(s) : Améliorations des équilibres pour les HTZ des SNP3, SNP6, SNP10, SNP14 et SNP15

Augmentations d'intensité	Baisses d'intensité	Conclusion
<ul style="list-style-type: none"> <li>• 3T</li> <li>• 6G</li> <li>• 10G</li> <li>• 14G</li> <li>• 15G</li> </ul>	<ul style="list-style-type: none"> <li>• 3C</li> <li>• 6A</li> <li>• 10A</li> </ul>	<input checked="" type="checkbox"/> satisfaisant <input type="checkbox"/> non satisfaisant

### Points de surveillance :

Amplification non-spécifique SNP15-A : risque d'étiquetage pour les HMZ SNP15G  
Déséquilibre des intensités des SNP6, SNP9, SNP12 et SNP15 dans les cas HTZ.

Lot validé

Lot non validé

Date: 25/02/2025

Par : Guillaume L'HERMITE